

中国水产学会鱼病学专业委员会 2011 年学术讨论会

(第一轮通知)

主办单位：集美大学

大宗淡水鱼类产业技术体系病害防控和质量安全功能研究室

中国水产学会鱼病学专业委员会

中国科学院水生生物研究所

承办单位：集美大学

会议宗旨：

为加强我国从事水产生物病害的基础和应用研究的科研以及技术人员的交流，促进我国水产生物病害研究和防治水平的提高，保障我国水产业的持续健康发展，中国水产学会鱼病学专业委员会决定于 2011 年 10 月在福建省厦门市召开 2011 年学术讨论会。邀请我国从事与水产动物病害相关的基础研究、应用研究以及推广和应用方面的专家学者、企事业人士与会。

会议专题：

1. 水生动物病原（病毒、细菌、寄生虫等）及其引起的病害；
2. 水生动物基础免疫学、药理学、病理学及其应用技术；
3. 水生动物疾病的综合防治技术与健康养殖技术；
4. 我国水生动物疫病防疫体系、渔药残留监控体系的建设；
5. 新技术、新方法在水产动物病害研究和防病生产上的应用。

会议安排：

1. 会议地点：福建省厦门市集美大学（具体地点待定）。
2. 会议时间：2011 年 10 月中下旬。
3. 会期：预计四天（含报到）。
4. 第一轮会议通知的回执和论文摘要请于 2011 年 8 月 20 日前邮寄或通过电子邮件寄给会议筹备委员会。
5. 注册费：会员为 800 元人民币，学生会员为人民币 500 元。
6. 会议将编辑中国水产学会鱼病学专业委员会 2011 年学术讨论会摘要集，收集本次学术讨论会的所有中、英文摘要。论文摘要请于 2011 年 8 月 20 日前发至：
 - 1) 武汉市武昌东湖南路 7 号 中国科学院水生生物研究所姚卫建（wjyao@ihb.ac.cn）或王桂堂（gtwang@ihb.ac.cn）。
 - 2) 厦门市集美区印斗路 43 号 集美大学水产学院鄢庆枇（yanqp@jmu.edu.cn）或黄文树（wshuang@jmu.edu.cn）
8. 会议筹备委员会将根据收到的回执和摘要情况，于 2011 年 8 月 30 日前发出第二轮通知。

会议筹备委员会联系人及地址：

武汉

姚卫建，王桂堂
中国科学院水生生物研究所
湖北省武汉市武昌区东湖南路7号
邮政编码：430072
电话：027-68780006，68780611
电传：027-68780123
Email: wjyao@ihb.ac.cn; gtwang@ihb.ac.cn

厦门

鄢庆枇，黄文树
集美大学水产学院
福建省厦门市集美区印斗路43号
邮政编码：361021
电话：0592-6181420, 18950183028, 13015946707
电传：0592-6181476
Email: yanqp@jmu.edu.cn; wshuang@jmu.edu.cn

附 1：参会回执；

附 2：摘要格式。

中国水产学会鱼病学专业委员会 2011 年学术讨论会回执

姓 名		性 别		职称或职务	
单 位					
通许地址 邮政编码					
联系电话		E-mail			
参会报告 题目					
大会或分 会报告	大会 分会 (请选择)		备注		

请于 2011 年 7 月 30 日前将此回执寄至：

- 1) 武汉市武昌区东湖南路 7 号 中国科学院水生生物研究所 (430072) 姚卫建收，也可用电子邮件发至会议筹备会。
- 2) 厦门市集美区印斗路 43 号 集美大学水产学院 (361021) 鄢庆枇收。

说明：大会报告将根据报告数量和报告内容确定。

中国水产学会鱼病学专业委员会
集美大学



2011年6月10日

我国淡水鱼类柱形病病原菌柱状黄杆菌的遗传多样性（注：宋体、小四、Bold）

（空一行）

王良发^{1,2} 谢海侠² 张金² 李楠² 姚卫建² 张立强² 熊传喜¹ 聂品²（宋体、小四号。不同作者单位用阿拉伯数字的上标表示）

（空一行）

1. 华中农业大学水产学院，武汉 430070；
2. 中国科学院水生生物研究所，淡水生态与生物技术国家重点实验室，武汉 430072）（宋体、小四号、1.5倍行距；不同作者单位换行排列）

（空一行）

摘要：为认识我国淡水鱼类烂鳃病的病原以及柱形病在我国的发生情况，实验从发生烂鳃病的病鱼中分离细菌性病原，经过生理生化特性分析以及是否在含托普霉素的Shieh培养基中生长并形成黄色假根状菌落，是否产生降解明胶和硫酸软骨素的酶类等特性的鉴定，并结合16S rDNA序列分析，证实柱状黄杆菌（*Flavobacterium columnare*）是所分离的烂鳃病的病原。同时，研究也证实20世纪曾经命名为烂鳃(gill-rot)病病原的鱼害黏球菌（*Myxococcus piscicola* Lu, Nie & Ko, 1975）是柱状黄杆菌的同物异名。利用分离到的16株柱状黄杆菌的16S rDNA序列，以及已经发表的柱状黄杆菌的相关序列，构建了系统发育树，发现柱状黄杆菌的菌株聚成3枝，与柱状黄杆菌的三种基因组型（genomovar）相对应。其中当时命名为鱼害黏球菌的强毒株G₄与分别分离自日本和美国的两株聚为一枝。另外两枝包括的菌株较多，它们中的一些菌株来源于相同的鱼类宿主，如鲤形目的种类；但是，这两枝也包括一些特有的株，如从欧洲和美国的鲑形目鱼类上分离的柱状黄杆菌聚为一枝，这一枝还包括我国曾经命名为鱼害黏球菌的G₁₈弱毒株。从我国隶属于鲈形目的鳊鱼和鲟形目的中华鲟上分离到的柱状黄杆菌则聚为另外一枝。作者认为对不同基因组型菌株的致病性和致病机理的研究将可能从根本上认识鱼类柱形病的流行规律。（宋体、小四号、1.5倍行距；请使用中文标点符号；摘要和关键词请用Bold）

（空一格）

关键词：柱状黄杆菌；同物异名；柱形病；16S rDNA；系统发育；基因组型